Bisulfite sequencing reads, Parker et al. 2022 (New Phytologist).

**Motif 1, forward:**

>I8+motif1  
GCRGTTCAGACYATTTAKYGTTTATCAATCTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGATATMTTAAATGGTAATCCTTACATTAAAATGGCAATAAAGAAGAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAMTTATTTTGGMCCTTACMCCCTTACAATTTATA

>I10+motif1  
GCGTAAGCCGACTATTTAKCGTWTATCAACTTCKTCTTGAKGGAATTGAKGGAKATTGRAATATCTTWWATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAAGAARTAKTTTTAGGATTTTARTGTTTTAAAAATTATTTTGGACCTTACMCCCTTACWATTTATA

>I24+motif1  
GARTTACWGACCATTTAKCGTTTATCAACTTTCKACTTGAKGCAATTGAKGGAKATTGRATATCTTWWATGGTAWTCCTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAACAARTAKTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAATTATTTTGGACCTTACCCCCTTACWWTTTATA

>I26+motif1  
ACCGATTTSAGGACYATTTAKYSTWTATCAAYTTTCGAMTTGAKGSMATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAAGAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAATTATTTTGGACCTTACCCCCTTACWATTTATA

>N3+motif1  
GCGGTCTSGGACYATTTAKYGTTTATTAATTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAGAAGAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAATTATTTTGGMCCTYACCCCCTTACAATTTATA

>N5+motif1  
GCGAATTSAGACYATTTAGYGTTTATTAYTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAASAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTYYTAAAAATTATTTTGGMCCTYACCCCCTTACWATTTATA

>N9+motif1  
GCAGTATAGGACYATTTAGYGTTTATTAATTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGAATATMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCATAAAGAASAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTYYTAAAAATTATTTTGGMCCTYACCCCCTYACAATTTATA

>N13+motif1  
GCGWAACTWAGAASYATTMGYGTTTATYAYTTTCGAMTTGAGGSCATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCCTTACATTMAAATGGYMMTAAAGAAGAAGTAGTTTTAGSAYTTTAGTGTYYTMAAAMTTATTTYGCMCCTYACCCCTYACWWTTTATA

**Motif 1.7, forward:**

>I26+motif1.7  
CGGCATTAGTCCATCATGGTATTGATTTTTTTTWATTTTTTTGTTTTTATTGTTAATTTGATTTTTWAWAWTWRATTAATATTTTAKTATKAAATGTTTTATTTTAATTTAAATTTTAAAAAAMATTTTTGTTGTGAAAAATTTTTARAAAGGTTTTGTTATGTTTTACCMCCACCCCCCCCCCCCCWAATWTTAATAAATTAATTA

>I24+motif1.7  
GGATTATTAGTCTTCATGGTATTGATTTTTTTTTATTTTTTTGTTTTTATTGTTAATTTGTATTTTTTATATTARATGAATATTTTAGTATGAAATGTTTWATTTTAATTYAAATTTTATAAAAWATTTTTGTTGTGWAAAATTTTTARAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATACCCCCCCCCCCCMAAWWTTTATAAATTAATTA

**Motif 2, forward:**

>I8+motif2  
CTTTWTAGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>I10+motif2  
CATTTTTTAGATTATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTtTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>I24+motif2  
ATTTWWAGATTATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>I26+motif2  
CACTTTWAGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>N3+motif2  
CAAATTWWWGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>N5+motif2  
AATTTTWWWAGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGC

>N9+motif2  
CATTMTYYWMWGATATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAagAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>N13+motif2  
CAAAACGKWATTTWGATTATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

**Motif 3, forward:**

>I8+motif3  
GGGGTTGGATGGATTGTGGATTATKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTATKGATTTAKGGAWAKGTTTTTTGWAGKGRGTTTTTTTTTAKWAAAAATTTGTTTTTAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWATAAA

>I10+motif3  
TGKKTAGGTGGATTTGTGGATTAAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTWKGGATWTGTTTTTTGTAGKGRGTTTTTTTTTAKWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTTWWWWAAAA

>I24+motif3  
TTKTTGGATGGATTTGTGGATTAAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTATTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGTAGKGAGTTTTTTTTTAKWAAAAATTTGTTTTTAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTWGGGKKTWWWAAAAA

>I26+motif3  
GTKTTGGGTGTGATTTGTGGATTATKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGWAGKGAGTTTTTTTTTARWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKKWWWWAAAAA

>N3+motif3  
TCTGTGATGGATTTGTGGATTATKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTWKGGATATGTTTTTTGTAGKGAGTTTTTTTTTAKWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKKWWWWTTAAA

>N5+motif3  
GCKTATAGATCGATTTGTGGATTAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGWAGKGAGTTTTTTTTTARWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWATAAA

>N9+motif3  
GCKGTTAGCTCGATTTGTGGATTAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTATTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGWAGKGAGTTTTTTTTTARWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWAAAAA

>N13+motif3  
GTAGGCMYARATRGGWTTGTGGATTAAKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTAKGGATATGTTTTTTGTAKKGAGTTTTTTTTTAKWAAAAATTTGTTTTTAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWWTAAA

**Motif 4E, forward:**

>I8+motif4E  
CCGTCTATGAGATATGAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAGAGAGGTAGTATGAAGGAAGAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATATGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAGAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTA

>I10+motif4E  
GCTTTTATGAGATTGAAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAAAGAGGTAGTATGAAGGAAAAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATTTGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAAAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTAA

>I24+motif4E  
CGTTTATGAGATATGAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAGAGAGGTAGTATGAAGGAAGAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATATGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAGAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTA

>I26+motif4E  
TCTCTATGAGATATGAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAAAGAGGTAGTATGAAGGAAAAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATATGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAGAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATAA

**Motif 4E opposite, reverse**

>N3+motif4E  
AACCCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTGCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACCCCCCCCAA

>N5+motif4E  
GAACCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACGCAAAACTTAAACCCGTATGTTATTCTTCCTTCATACTACCTCGTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACACCCCCCA

>N9+motif4E  
AAACCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATGACACCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTTCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACCCCCCCCA

>N13+motif4E  
GCACCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACGCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTGCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACCCCCCCCA

>N19+motif4E  
TMCCCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACCAAAAGTTAAACCCTATTTATTCTTCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCYTTTTCMCCCAWTTAATYTTTAAAAAAACCAAMAAAATAAAYTACAACMCMCCAATCTAAACCAACTAACCCCWTCCCATATTTTTCATATTTYTCAATTTAATCAACAWAAACMCCAACCAAAACMCCMCCMA

>N20+motif4E  
GMCCMCTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATSACACCAAAACTTAAACCCGTATTTRTTCTTCCTTCATACTACCKCKCTRRTTKCCTTCCTTTTTTTTTTCYTTTTCMCCCAWTTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAAWAAACTACAACMCMCCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCAWATTTCTCAATTTAATCAACATAAACMCCAACCAAAACMCCCCCMA

>N28+motif4E  
GMCCCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATSACACCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTGCCTTCGACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCMCCCAWTTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACMCMCCAATCTAAMCCAMCTAACCCCATCCCATATTTTTCAWATTTCTCAATTWAATCAACAWAAACMCCAACCAAAMCMCCMCCMA

>N29+motif4E  
GMGCMACTATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATSACACCAAAACTTAAACCCTATTTATTCTTCCTTCATACTACCTCTCTARTTTCCTTCCTTTTTTTTTTCYTTTTCMCCCAWTTAATYTTTAAAAAAACCAACAAAATAAAYTACAACMCMCCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCAWATTTCTCAATTTAATCAACATAAACMCCAACCAAAACMCCCCCMA

**Gene body 3 (GB 3), forward:**

>N3+GB 3  
CGGATTTGCGAATGAGAGTATGATGTTATGACGAGAATTAGAAGAGGAGTTAGGAGTTATGAAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGACGAA

>N5+GB 3  
ATTAGAATGAATGAATGTATGATGTGTTGACGAGAATTAGAAGAGGAGTTAGGAGTTATGAAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGACGAA

**Gene body 4 (GB 4), forward:**

>N3+GB 4  
GTGGACTTATGAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

>N5+GB 4  
CTGACTTATGAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

>N9+GB 4  
GTGACTTATGAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

>N13+GB 4  
GCGGCTTATGTTTGAGTATGATGTATAATGATAGTTGTATATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

**21-opp-1, forward:**

>I8+21 opp 1  
AATGCAAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>I10+21 opp 1  
TAAAAAAAGCCCCAACTCCTCAAAACTTTGCGTGCGCCARAAGGKAAKACTCGTCTAGGTCAAMCCAMGAAAAAACCGTTTTAAGGCTACCTTCAAAATTTTAAAGG

>I24+21 opp 1  
AATGCAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>I26+21 opp 1  
ATAAAACACACCCCCACTCTTGACATCTTTAGGGACAAAAGRAKGACCTCCKGWAGGTYSAATYMAAGGAAAAAACCTCCTTAAGGTTCCTTCCMAAGTTTTCAGGG

>N3+21 opp 1  
AATGCAAGGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>N5+21 opp 1  
AATGCAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>N9+21 opp 1  
CACTGCAAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>N13+21 opp 1  
AATGGCAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

**21-opp-2, forward**

>I24+21 opp 2  
CCGGTMTTMCTRATTTAATAAGGTAGRGATGATTATTCCCCCCCCCCCCSSYTCATTTTASAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGACAGAGGGAGATGAAGCTTCCGAATGGGTTTTTWTTGMAAGGGGATTTATTGTMMACAGTATGTTTATCAATTACCAAAAAGAAAASATGGTAMAGTASATTCMCC

>I26+21 opp 2  
TKGGCTTTTGATTATATAGTAGTATGTTTWAMCCTTGTWACACGCGTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAACCC

>N3+21 opp 2  
GKGGCTTTTGATTATATAGTAGTATGTTTGATCGTTGTWAACSGTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAACCC

>N5+21 opp 2  
GKKTTTTTTWKATTAKAKAGKWRTRKRTKRTRAYAKSYYGYMTACCSSTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAAMCC

>N9+21 opp 2  
TGGTTTTTTGATTATATAGTAGTATGTTTGATGGTTGTWAACSGTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAACCC

>N13+21 opp 2  
AGGGTTGGTATTTTRAGAAGATGGTGTGTAGKGTRTTTTATCYCCTACC

**21-opp-7, reverse**

>I8+21 opp 7  
AAAAAAAACAMCCCTAAAATTTCAMTACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCTAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCTCCTATCMCTCATCYCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTWAAA

>I10+21 opp 7  
AAAGGGAGGGGTGGCTCCTCGCATTCTTCATCATATCAKACTAWTTTAAA

>I24+21 opp 7  
GGAAAAACAACCCTAAAATTTCAATACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCATCTACYCTTTCWAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCTCCTATCMCTCATCTCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTTAAA

>I26+21 opp 7 AGAAAAACAMCCCTMAAATTTCAMTACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACTCTTTCTAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCCCCTATCMCTCATCTCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTTAAAA

>N3+21 opp 7  
GAAAAAAAACCCTAAAATTTCAMTACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCTAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCYCCTATCMCTCATCTCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTWAAA

>N5+21 opp 7  
TAAAAAACAACCCTAAAATTTCATACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCWAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCYCCTATCMCTCATCYCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTTAAAA

>N9+21 opp 7 AGAAAAAACACCCTAAAATTTCAATACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCWAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCYCCTATCMCTCATCYCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTWAAAA

>N13+21 opp 7  
ARGGGATGAACTCGGTCTCTCGCATCATATCATACTAATTTAAAGKAA

**21-opp-8, forward**

>I8+21 opp 8  
AAGAGCTGATASGAGAAAGTAGTGGTCGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAAKGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTWTTTTTTTTATTATTATTTWAAKGKGGTTATKGTTWTTKGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>I10+21 opp 8  
AAGAAGCTGAAACGAKAATGTAGTGGCGTAAGAGTWCGAAGTTAKCARGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAAGGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTATTTTTTTTATTATWATTTWAAKGKGGTTATTGTTATTTGGWATATTTTAKTTTAAA

>I24+21 opp 8  
CAGAGTGATAGGAGAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTWTTWTTWTTTTAAKGKGGTTWTKGTTWTTTGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>I26+21 opp 8  
CAGAGTGATAGGAGAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTATTWTWATTTTAAKGKGGTTWTTGTTWTTTGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>N3+21 opp 8  
CAGAGTGATAGGAGAAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTKAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTATTATWATTTWAAKGKGGTTATKGTTATTKGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>N5+21 opp 8  
TAAGAGTGAAGGAGAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTATWATWATTTWAAKGKGGTTATKGTTWTTKGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>N9+21 opp 8  
CTKGAGTGAAAGGAGAAAAGTAGTGGTGAAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAaTGAATTTtGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTWTTWTWATTTTAAKGKGGTTATKGTTWTTKGGWATWTTTTAKTTTAAA

>N13+21 opp 8  
CCAAGGRTYTGTRACGATTRAGGGCKTGTACGTTTTTATAMTATGATTCAGAWGTCGGTRWATGAGTTGGTGTTCWGGTGGTTATTGTTATTTGGTATATTTTAGTTTTATTTTATTTATTATAATTTWAAKGKGGTTATKGTTATTKGGWATATTTWAKTTTTAA

**+1k BSS 1, forward**

>I8+Primer 1k BSS 1  
CATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>I10+Primer 1k BSS 1  
CATGGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>I24+Primer 1k BSS 1  
TATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>I26+Primer 1k BSS 1  
CTGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>N3+Primer 1k BSS 1  
ATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>N9+Primer 1k BSS 1  
ATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>N13+Primer 1k BSS 1  
ATGATTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA