Bisulfite sequencing reads, Parker et al. 2022 (New Phytologist).

**Motif 1, forward:**

>I8+motif1
GCRGTTCAGACYATTTAKYGTTTATCAATCTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGATATMTTAAATGGTAATCCTTACATTAAAATGGCAATAAAGAAGAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAMTTATTTTGGMCCTTACMCCCTTACAATTTATA

>I10+motif1
GCGTAAGCCGACTATTTAKCGTWTATCAACTTCKTCTTGAKGGAATTGAKGGAKATTGRAATATCTTWWATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAAGAARTAKTTTTAGGATTTTARTGTTTTAAAAATTATTTTGGACCTTACMCCCTTACWATTTATA

>I24+motif1
GARTTACWGACCATTTAKCGTTTATCAACTTTCKACTTGAKGCAATTGAKGGAKATTGRATATCTTWWATGGTAWTCCTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAACAARTAKTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAATTATTTTGGACCTTACCCCCTTACWWTTTATA

>I26+motif1
ACCGATTTSAGGACYATTTAKYSTWTATCAAYTTTCGAMTTGAKGSMATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAAGAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAATTATTTTGGACCTTACCCCCTTACWATTTATA

>N3+motif1
GCGGTCTSGGACYATTTAKYGTTTATTAATTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAGAAGAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTTTTAAAAATTATTTTGGMCCTYACCCCCTTACAATTTATA

>N5+motif1
GCGAATTSAGACYATTTAGYGTTTATTAYTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCCTAAAKAASAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTYYTAAAAATTATTTTGGMCCTYACCCCCTTACWATTTATA

>N9+motif1
GCAGTATAGGACYATTTAGYGTTTATTAATTTTCGACTTGAGGSMATTGAGGGAGATTCGGAATATMTTAAATGGTAATCSTTACATTAAAATGGCCATAAAGAASAAGTAGTTTTAGGATTTTAGTGTYYTAAAAATTATTTTGGMCCTYACCCCCTYACAATTTATA

>N13+motif1
GCGWAACTWAGAASYATTMGYGTTTATYAYTTTCGAMTTGAGGSCATTGAGGGAGATTCGGAATAYMTTAAATGGTAATCCTTACATTMAAATGGYMMTAAAGAAGAAGTAGTTTTAGSAYTTTAGTGTYYTMAAAMTTATTTYGCMCCTYACCCCTYACWWTTTATA

**Motif 1.7, forward:**

>I26+motif1.7
CGGCATTAGTCCATCATGGTATTGATTTTTTTTWATTTTTTTGTTTTTATTGTTAATTTGATTTTTWAWAWTWRATTAATATTTTAKTATKAAATGTTTTATTTTAATTTAAATTTTAAAAAAMATTTTTGTTGTGAAAAATTTTTARAAAGGTTTTGTTATGTTTTACCMCCACCCCCCCCCCCCCWAATWTTAATAAATTAATTA

>I24+motif1.7
GGATTATTAGTCTTCATGGTATTGATTTTTTTTTATTTTTTTGTTTTTATTGTTAATTTGTATTTTTTATATTARATGAATATTTTAGTATGAAATGTTTWATTTTAATTYAAATTTTATAAAAWATTTTTGTTGTGWAAAATTTTTARAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATACCCCCCCCCCCCMAAWWTTTATAAATTAATTA

**Motif 2, forward:**

>I8+motif2
CTTTWTAGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>I10+motif2
CATTTTTTAGATTATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTtTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>I24+motif2
ATTTWWAGATTATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>I26+motif2
CACTTTWAGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>N3+motif2
CAAATTWWWGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>N5+motif2
AATTTTWWWAGATTATTTTTGTTGTGTTAATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGC

>N9+motif2
CATTMTYYWMWGATATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAagAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

>N13+motif2
CAAAACGKWATTTWGATTATTTTTGTTGTGTTATTTTTTAGAAAGGTTTTGTTATGTTTTAAGTAATAATAATTGGATTTTTGATTTTATATTTTTATTAAATATTTTTATTTTTGTTATTAAGAAGTTTAATTTGGAAATATTGTGTATGTAGGAA

**Motif 3, forward:**

>I8+motif3
GGGGTTGGATGGATTGTGGATTATKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTATKGATTTAKGGAWAKGTTTTTTGWAGKGRGTTTTTTTTTAKWAAAAATTTGTTTTTAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWATAAA

>I10+motif3
TGKKTAGGTGGATTTGTGGATTAAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTWKGGATWTGTTTTTTGTAGKGRGTTTTTTTTTAKWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTTWWWWAAAA

>I24+motif3
TTKTTGGATGGATTTGTGGATTAAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTATTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGTAGKGAGTTTTTTTTTAKWAAAAATTTGTTTTTAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTWGGGKKTWWWAAAAA

>I26+motif3
GTKTTGGGTGTGATTTGTGGATTATKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGWAGKGAGTTTTTTTTTARWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKKWWWWAAAAA

>N3+motif3
TCTGTGATGGATTTGTGGATTATKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTWKGGATATGTTTTTTGTAGKGAGTTTTTTTTTAKWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKKWWWWTTAAA

>N5+motif3
GCKTATAGATCGATTTGTGGATTAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGWAGKGAGTTTTTTTTTARWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWATAAA

>N9+motif3
GCKGTTAGCTCGATTTGTGGATTAGTAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTATTGATTTAKGGAWATGTTTTTTGWAGKGAGTTTTTTTTTARWAAAAATTKGTTTTWAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWAAAAA

>N13+motif3
GTAGGCMYARATRGGWTTGTGGATTAAKWAGGTTTTGGGATGTGAAGGGTAAGATAGTATTGATAGTATTTTGTAGAAGTGTGTATTGAATTTTTTTTAATTTGTTTTATTATTTTTTTTTTTTWTTGATTTAKGGATATGTTTTTTGTAKKGAGTTTTTTTTTAKWAAAAATTTGTTTTTAAWATTTWATTTTTTTTTTTTTTTTTTTWWKGGGKTTTTTTTTKGGGKTWWWWWTAAA

**Motif 4E, forward:**

>I8+motif4E
CCGTCTATGAGATATGAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAGAGAGGTAGTATGAAGGAAGAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATATGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAGAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTA

>I10+motif4E
GCTTTTATGAGATTGAAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAAAGAGGTAGTATGAAGGAAAAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATTTGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAAAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTAA

>I24+motif4E
CGTTTATGAGATATGAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAGAGAGGTAGTATGAAGGAAGAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATATGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAGAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTA

>I26+motif4E
TCTCTATGAGATATGAAATATGGGATGGGGTTAGTTGGTTTAGATTGGTGTGTTGTAGTTTATTTTGTTGGTTTTTTTAAAGATTAATTGGGTGAAAAGGAAAAAAAAAAGGAAGGAAATTAAAGAGGTAGTATGAAGGAAAAATAAATAGGGTTTAAGTTTTGGTGTGATTATATGTTTGAAATGAAAGGTTTTTATAAATATATAATGAAAGAAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAAAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATAA

**Motif 4E opposite, reverse**

>N3+motif4E
AACCCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTGCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACCCCCCCCAA

>N5+motif4E
GAACCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACGCAAAACTTAAACCCGTATGTTATTCTTCCTTCATACTACCTCGTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACACCCCCCA

>N9+motif4E
AAACCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATGACACCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTTCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACCCCCCCCA

>N13+motif4E
GCACCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACGCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTGCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCACCCAATTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACACACCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCATATTTCTCAATTTAATCAACATAAACACCAACCAAAACCCCCCCCA

>N19+motif4E
TMCCCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATCACACCAAAAGTTAAACCCTATTTATTCTTCCTTCATACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCYTTTTCMCCCAWTTAATYTTTAAAAAAACCAAMAAAATAAAYTACAACMCMCCAATCTAAACCAACTAACCCCWTCCCATATTTTTCATATTTYTCAATTTAATCAACAWAAACMCCAACCAAAACMCCMCCMA

>N20+motif4E
GMCCMCTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATSACACCAAAACTTAAACCCGTATTTRTTCTTCCTTCATACTACCKCKCTRRTTKCCTTCCTTTTTTTTTTCYTTTTCMCCCAWTTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAAWAAACTACAACMCMCCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCAWATTTCTCAATTTAATCAACATAAACMCCAACCAAAACMCCCCCMA

>N28+motif4E
GMCCCACTAATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATSACACCAAAAGTTAAAGCCTATTTATTCTGCCTTCGACTACCTCTCTAATTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCTTTTCMCCCAWTTAATCTTTAAAAAAACCAACAAAATAAACTACAACMCMCCAATCTAAMCCAMCTAACCCCATCCCATATTTTTCAWATTTCTCAATTWAATCAACAWAAACMCCAACCAAAMCMCCMCCMA

>N29+motif4E
GMGCMACTATACTACTTCTTTCATTATATATTTATAAAAACCTTTCATTTCAAACATATAATSACACCAAAACTTAAACCCTATTTATTCTTCCTTCATACTACCTCTCTARTTTCCTTCCTTTTTTTTTTCYTTTTCMCCCAWTTAATYTTTAAAAAAACCAACAAAATAAAYTACAACMCMCCAATCTAAACCAACTAACCCCATCCCATATTTTTCAWATTTCTCAATTTAATCAACATAAACMCCAACCAAAACMCCCCCMA

**Gene body 3 (GB 3), forward:**

>N3+GB 3
CGGATTTGCGAATGAGAGTATGATGTTATGACGAGAATTAGAAGAGGAGTTAGGAGTTATGAAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGACGAA

>N5+GB 3
ATTAGAATGAATGAATGTATGATGTGTTGACGAGAATTAGAAGAGGAGTTAGGAGTTATGAAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGACGAA

**Gene body 4 (GB 4), forward:**

>N3+GB 4
GTGGACTTATGAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

>N5+GB 4
CTGACTTATGAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

>N9+GB 4
GTGACTTATGAGGAGATGATGTATAAGATAGTTGTTATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

>N13+GB 4
GCGGCTTATGTTTGAGTATGATGTATAATGATAGTTGTATATGTAATTTGTGGATATTGATTTTGTTATTATTTGTAAGTTAAAGAGAAGAAATGTTTGTATTAGTGATGATTTTTAGAGTGTGGTTGTATGTTATAGGAGAGAGAGGATTAGTGAGAAAATTTGTATTTTTTAAAGATTTGTTTTTGGAGGAATTAAAATGGATATTGTTTTTATGTTTGATGAAGTTATTTGTTATGTTAAGTTTTTTAAGAGATAAATTAGGTTGTTA

**21-opp-1, forward:**

>I8+21 opp 1
AATGCAAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>I10+21 opp 1
TAAAAAAAGCCCCAACTCCTCAAAACTTTGCGTGCGCCARAAGGKAAKACTCGTCTAGGTCAAMCCAMGAAAAAACCGTTTTAAGGCTACCTTCAAAATTTTAAAGG

>I24+21 opp 1
AATGCAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>I26+21 opp 1
ATAAAACACACCCCCACTCTTGACATCTTTAGGGACAAAAGRAKGACCTCCKGWAGGTYSAATYMAAGGAAAAAACCTCCTTAAGGTTCCTTCCMAAGTTTTCAGGG

>N3+21 opp 1
AATGCAAGGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>N5+21 opp 1
AATGCAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>N9+21 opp 1
CACTGCAAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

>N13+21 opp 1
AATGGCAGAGTAGTATTAGTGGTGTGTATAAGAGGATGATAGTTGTGTAGGTTGAATTGAAGGAAGAAGAGGTTAATTAGGTTTATTTTGAAGTTTTTATGGA

**21-opp-2, forward**

>I24+21 opp 2
CCGGTMTTMCTRATTTAATAAGGTAGRGATGATTATTCCCCCCCCCCCCSSYTCATTTTASAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGACAGAGGGAGATGAAGCTTCCGAATGGGTTTTTWTTGMAAGGGGATTTATTGTMMACAGTATGTTTATCAATTACCAAAAAGAAAASATGGTAMAGTASATTCMCC

>I26+21 opp 2
TKGGCTTTTGATTATATAGTAGTATGTTTWAMCCTTGTWACACGCGTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAACCC

>N3+21 opp 2
GKGGCTTTTGATTATATAGTAGTATGTTTGATCGTTGTWAACSGTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAACCC

>N5+21 opp 2
GKKTTTTTTWKATTAKAKAGKWRTRKRTKRTRAYAKSYYGYMTACCSSTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAAMCC

>N9+21 opp 2
TGGTTTTTTGATTATATAGTAGTATGTTTGATGGTTGTWAACSGTGGTTAGATTTTAGAGAGGGATTTGATGGAGGAGAGAAAGAGGGAGATGAAGTATTAGGAATGGGTTTTTATTGAAAGGGGATTTATTGTAAAAAGTATGTTTATGAATTAATAAAAAGAAAAGATGGTAAAGTAGATAACCC

>N13+21 opp 2
AGGGTTGGTATTTTRAGAAGATGGTGTGTAGKGTRTTTTATCYCCTACC

**21-opp-7, reverse**

>I8+21 opp 7
AAAAAAAACAMCCCTAAAATTTCAMTACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCTAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCTCCTATCMCTCATCYCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTWAAA

>I10+21 opp 7
AAAGGGAGGGGTGGCTCCTCGCATTCTTCATCATATCAKACTAWTTTAAA

>I24+21 opp 7
GGAAAAACAACCCTAAAATTTCAATACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCATCTACYCTTTCWAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCTCCTATCMCTCATCTCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTTAAA

>I26+21 opp 7 AGAAAAACAMCCCTMAAATTTCAMTACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACTCTTTCTAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCCCCTATCMCTCATCTCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTTAAAA

>N3+21 opp 7
GAAAAAAAACCCTAAAATTTCAMTACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCTAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCYCCTATCMCTCATCTCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTWAAA

>N5+21 opp 7
TAAAAAACAACCCTAAAATTTCATACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCWAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCYCCTATCMCTCATCYCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTTAAAA

>N9+21 opp 7 AGAAAAAACACCCTAAAATTTCAATACCCCAAAAATCATTTTAAAAAAAAAAACYCWTCTACYCTTTCWAACTTCAACTCTTTTCMCCMCTACTTTTCYCCTATCMCTCATCYCATTCTTCATCAWATCAWACWAATTWAAAA

>N13+21 opp 7
ARGGGATGAACTCGGTCTCTCGCATCATATCATACTAATTTAAAGKAA

**21-opp-8, forward**

>I8+21 opp 8
AAGAGCTGATASGAGAAAGTAGTGGTCGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAAKGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTWTTTTTTTTATTATTATTTWAAKGKGGTTATKGTTWTTKGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>I10+21 opp 8
AAGAAGCTGAAACGAKAATGTAGTGGCGTAAGAGTWCGAAGTTAKCARGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAAGGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTATTTTTTTTATTATWATTTWAAKGKGGTTATTGTTATTTGGWATATTTTAKTTTAAA

>I24+21 opp 8
CAGAGTGATAGGAGAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTWTTWTTWTTTTAAKGKGGTTWTKGTTWTTTGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>I26+21 opp 8
CAGAGTGATAGGAGAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTATTWTWATTTTAAKGKGGTTWTTGTTWTTTGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>N3+21 opp 8
CAGAGTGATAGGAGAAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTKAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTATTATWATTTWAAKGKGGTTATKGTTATTKGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>N5+21 opp 8
TAAGAGTGAAGGAGAAGTAGTGGTGAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAATGATTTTTGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTATWATWATTTWAAKGKGGTTATKGTTWTTKGGWAWWTTTTAKTTTAAA

>N9+21 opp 8
CTKGAGTGAAAGGAGAAAAGTAGTGGTGAAAAGAGTTGAAGTTAGAAAGAGTAGATGAGTTTTTTTTTTTAAAaTGAATTTtGGGGTATTGAAATTTTAGGGTTGTTTTTTTTTTWTTWTWATTTTAAKGKGGTTATKGTTWTTKGGWATWTTTTAKTTTAAA

>N13+21 opp 8
CCAAGGRTYTGTRACGATTRAGGGCKTGTACGTTTTTATAMTATGATTCAGAWGTCGGTRWATGAGTTGGTGTTCWGGTGGTTATTGTTATTTGGTATATTTTAGTTTTATTTTATTTATTATAATTTWAAKGKGGTTATKGTTATTKGGWATATTTWAKTTTTAA

**+1k BSS 1, forward**

>I8+Primer 1k BSS 1
CATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>I10+Primer 1k BSS 1
CATGGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>I24+Primer 1k BSS 1
TATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>I26+Primer 1k BSS 1
CTGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>N3+Primer 1k BSS 1
ATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>N9+Primer 1k BSS 1
ATGTTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA

>N13+Primer 1k BSS 1
ATGATTTGGTTTTGTTATGTAAAGTTATATATATATAATATATAGAATATAATAATAATGTGTATGTTAGTTTGGGTA